1 MLRTRVTALLCRATVRSSTNYVSLARTRSFHSQSILLKTAATDITSTQYS 50
51 RIFNPDLKNIDRPLDTFARRHLGPSPSDVKKMLKTMGYSDLNAFIEELVP 100
101 PNILKRRPLKLEAPSKGFCEQEMLQHLEKIANKNHYKVKNFIGKGYYGTI 150
151 LPPVIQRNLLESPEWYTSYTPYQPEISQGRLEALLNFQTVVSDLTGLPVA 200
201 NASLLDEGTAAGEAMLLSFNISRKKKLKYVIDKKLHQQTKSVLHTRAKPF 250
251 NIEIIEVDCSDIKKAVDVLKNPDVSGCLVQYPATDGSILPPDSMKQLSDA 300
301 LHSHKSLLSVASDLMALTLLKPPAHYGADIVLGSSQRFGVPMGYGGPHAA 350
351 FFAVIDKLNRKIPGRIVGISKDRLGKTALRLALQTREQHIKRDKATSNIC 400
401 TAQALLANVASSYCVYHGPKGLQNISRRIFSLTSILANAIENDSCPHELI 450
451 NKTWFDTLTIKLGNGISSEQLLDKALKEFNINLFAVDTTTISLALDETTT 500
501 KADVENLLKVFDIENSSQFLSEDYSNSFPREFQRTDEILRNEVFHMHHSE 550
551 TAMLRYLHRLQSRDLSLANSMIPLGSCTMKLNSTVEMMPITWPQFSNIHP 600
601 FQPSNQVQGYKELITSLEKDLCSITGFDGISLQPNSGAQGEYTGLRVIRS 650
651 YLESKGENHRNVCLIPVSAHGTNPASAAMAGLKVVPVNCLQDGSLDLVDL 700
701 KNKAEQHSKELAAVMITYPSTYGLFEPGIQHAIDIVHSFGGQVYLDGANM 750
751 NAQVGLTSPGDLGADVCHLNLHKTFSIPHGGGGPAGAPICVKSHLIPHLP 800
801 KHDVVDMITGIGGSKSIDSVSSAPYGNALVLPISYAYIKMMGNEGLPFSS 850
851 VIAMLNSNYMMTRLKDHYKILFVNEMSTLKHCAHEFIVDLREYKAKGVEA 900
901 IDVAKRLQDYGFHAPTLAFPVPGTLMIEPTESENLEELDRFCDAMISIKE 950
951 EINALVAGQPKGQILKNAPHSLEDLITSSNWDTRGYTREEAAYPLPFLRY 1000
1001 NKFWPTVARLDDTYGDMNLICTCPSVEEIANETE